

Synthetic mRNA Vaccines and Transcriptomic Dysregulation: Evidence from New-Onset Adverse Events and Cancers Post- Vaccination

Inhaltsverzeichnis

- [A Systematic Review of Autopsy Findings in Deaths after COVID-19 Vaccination](#)
- [Fazit](#)

Lesezeit 7 Minuten

Audio-Version

Unter dem Titel „*Synthetic mRNA Vaccines and Transcriptomic Dysregulation: Evidence from New-Onset Adverse Events and Cancers Post-Vaccination*“ (zu Deutsch: „*Synthetische mRNA-Impfstoffe und transkriptomische Dysregulation: Beweise für neu auftretende unerwünschte Ereignisse und Krebserkrankungen nach der Impfung*“, haben Natalia von Ranke, Wei Zhang, Philipp Anokin, [Nicolas Hulscher](#), [Kevin J. McKernan](#), Peter A. McCullough & [John A. Catanzaro](#) am 25.07.2025 unter DOI 10.20944/preprints202507/.2155.v1 auf [preprints.org](#) ihre Studie veröffentlicht.

Am 11.09.2025 wurde der Preprint von preprints.org zurückgezogen, wie uncutnews.ch in einem [Beitrag](#) vom 15.09.2025 wissen lässt.

Da die Studie aktuell von weiteren renommierten Fachzeitschriften begutachtet wird, ist sie weiterhin auf [ResearchGate](#) verfügbar.

In der Zwischenzeit haben 36.351 Leser den nunmehr gelöschten Preprint aufgerufen, 8.651 Downloads fanden statt und 22 Kommentare wurde hinterlassen:

Synthetic mRNA Vaccines and Transcriptomic Dysregulation: Evidence from New-Onset Adverse Events and Cancers Post-Vaccination

Version 1

Submitted: 24 July 2025
Posted: 25 July 2025
Withdrawn: 11 September 2025

 This preprint has been withdrawn

Preprint

Article

This version is not peer-reviewed.

Downloads

8651

Views

36351

Comments

22

Withdrawn: Synthetic mRNA Vaccines and Transcriptomic Dysregulation: Evidence from New-Onset Adverse Events and Cancers Post-Vaccination

Natalia von Ranke , Wei Zhang , Philipp Anokin, Nicolas Hulscher , Kevin J. McKernan 
, Peter A. McCullough , John A. Catanzaro 

Withdrawal Statement

This preprint has unresolved ethical issues concerning ethical oversight, legitimacy of institutional boards, validity of the study design, and potential biases in study interpretation that compromise the overall trust in the research findings.

Die Studie scheint also durchaus Beachtung in der wissenschaftlichen Szenerie gefunden zu haben. Dass ein Preprint überhaupt zurückgezogen wird, scheint eine Rarität darzustellen.

Die Studie verglich mittels differenzieller Genexpressionsanalyse gesunde Kontrollpersonen (803 Probanden) mit nachweislich durch, im Rahmen der Pandemie-Aktivitäten durchgeführten, mRNA-Injektionen geschädigten Personen (z.B. Krebs und sog. adverse events (unerwünschte Nebenwirkungen)). Hier als PDF zum [Download](#).

Es zeigte sich, dass die Gen-Expression bezogen auf Tausende von Genen nachhaltig (über Monate bis Jahre nach Injektion) stört, wie z.B. mitochondriales Versagen (bisher nur als Störung der zellulären Energieproduktion durch genetisch bedingte, maternal vererbte, Mitochondriendefekte bekannt), wie onkogene Aktivierung (bei der intakte Gene in krankhafte Formen umgewandelt werden, was in Überexpression des Onkogenprodukts, mithin zu unkontrolliertem Zellwachstum und nachfolgender Tumorbildung resultiert). Dies wurde mittels hochauflösender RNA-Sequenzierung von Blutproben in Erfahrung gebracht.

U.a. wurden folgende Effekte beobachtet:

- **Mitochondriales Versagen**
Abbau des Komplexes I (NADH-Dehydrogenase oder NADH-Ubichinon-Oxidoreduktase), oxidativer Stress, Energiezusammenbruch
- **Umprogrammierung des Immunsystems**
chronische Entzündungen,

ACE2-Suppression (Hemmung oder Verringerung der Aktivität oder Expression des Angiotensin-Converting-Enzyme-2),

TLR-Hyperaktivierung (übermäßige oder unkontrollierte Aktivierung von Toll-like-Rezeptoren (TLRs) resultieren, durch Dimerisierung ausgelöste intrazelluläre Signalkaskaden, in entzündlichen Prozessen, übermäßigen Entzündungsreaktionen)

- **Onkogene Aktivierung**

MYC (Transkriptionsfaktor, sowie das zugehörige Gen, das sich auf Chromosom 8 (Genlokus 8q24.21) befindet; erhöht die Expression anderer Gene, der Mechanismus ist noch nicht geklärt) erhöht, p53/KRAS p53, sowie das zugehörige TP53-Gen agiert als Tumorsuppressor; im Falle eines Gendefektes innerhalb einer Zelle wird die Zellteilung gestoppt und DNA-Reparaturmechanismen in Gang gesetzt. Ist die Reparatur erfolgreich, sinkt der p53-Spiegel und die Zellteilung schreitet voran. Ist die Reparatur nicht erfolgreich, steigt der p53-Pegel weiterhin an und aktiviert Caspasen, was zur Apoptose, dem Zelltod führt; ebenso steuert p53 das Schwangerschaftshormon hCG (humanes Choriongonadotropin)) verringert, Unterdrückung der DNA-Reparaturmechanismen (s.o.)

- **Zellulärer Stress**

Überlastung der Ribosomen (entsteht durch große Mengen abzulesender mRNA, Schäden an der mRNA, ein fehlendes Stopp-signal blockiert die Proteinbiosynthese, was in Summe zu einer Ansammlung defekter oder unvollständiger Proteine führt, die die Zelle belasten und zu zellulären Stressreaktionen führt.),

Aufbau fehlgefalteter Proteine (fehlgefaltete Proteine entstehen, wenn eine Aminosäurekette nicht in der biologisch korrekten, funktionalen dreidimensionalen gefalteten Struktur vorliegt und in der Zelle aggregieren, wodurch toxische Proteine zu Krankheiten wie z.B. Alzheimer, Parkinson, Chorea Huntington führen können.),

Aktivierung des Proteasoms (die Folge von fehlgefalteten Proteinen; Prozess, der diese als fehlgefaltet erkannte Protein Agglomerate abzubauen versucht, um die Proteinhomöostase wiederherzustellen.)

- **Epigenetische Umstrukturierung**

Chromatinverschiebungen (Regelt die Sichtbarkeit von DNA Bereichen für Transkriptionsfaktoren und RNA-Polymerase; Teil komplexer epigenetischer Mechanismen, die über Generationen vererbbar und zentral für Entwicklung und Anpassungsfähigkeit von Organismen sind.),

Methylierungsänderungen (beeinflusst die Eigenschaften von Genen)

epigenetisch; es können Gene inaktiviert oder deren Expression verringert werden; diese Prozesse sind reversibel, wenn die relevanten Methylgruppen durch Demethylierung entfernt werden.),

Nukleosomenverschiebung (dient der Zugänglichkeit der DNA für zelluläre Prozesse, wie z.B. DNA Replikation oder Transkription, da die DNA normalerweise nicht von den dafür zuständigen Enzymen (DNA-Polymerasen, bzw. RNA-Polymerasen) erreicht werden kann; die Positionierung der Nukleosomen auf der DNA (Nukleosomen-Phasing) ist bedeutsam für die Regulation der Genexpression.)

- **Reverse Transcription**

Unabhängige Studien zeigten das Auftreten von mRNA-Integration in DNA (Gen-Integration der Impfstoff-mRNA), sowie anhaltende Expression derselben. (Gemäß Formulierung des zentralen Dogmas der Molekularbiologie ist der Informationsfluss stets von DNA zu RNA definiert.)

A Systematic Review of Autopsy Findings in Deaths after COVID-19 Vaccination

Ein ähnliches Schicksal erfuhr die 48-seitige Studie „**A Systematic Review of Autopsy Findings in Deaths after COVID-19 Vaccination**“ von [Nicolas Hulscher](#), [Paul E. Alexander](#), [Richard Ameling](#), [Heather Gessling](#), [Roger Hodgkinson](#), [William Makis](#), [Harvey A. Risch](#), [Mark Tozzi](#), [Peter A. McCullough](#), erschienen am 05.07.2023 – sie wurde bereits nach 24 Stunden von *The Lancet* gelöscht, nachdem innerhalb dieser Stunden 1.042 Downloads und 2.176 Views registriert wurden.

Leider ist nur noch dieser Inhalt via [WayBackMachine](#) verfügbar:

„Abstract

Background: The rapid development and widespread deployment of COVID-19 vaccines, combined with a high number of adverse event reports, have led to concerns over possible mechanisms of injury including systemic lipid nanoparticle (LNP) and mRNA distribution, spike protein-associated tissue damage, thrombogenicity, immune system dysfunction, and carcinogenicity. The aim of this systematic review is to investigate possible causal links between COVID-19 vaccine administration and death using autopsies and post-mortem analysis.

Methods: We searched for all published autopsy and necropsy reports relating to

Synthetic mRNA Vaccines and Transcriptomic Dysregulation: Evidence from New-Onset Adverse Events and Cancers Post- Vaccination

COVID-19 vaccination up until May 18th, 2023. We initially identified 678 studies and, after screening for our inclusion criteria, included 44 papers that contained 325 autopsy cases and one necropsy case. Three physicians independently reviewed all deaths and determined whether COVID-19 vaccination was the direct cause or contributed significantly to death.

Findings: The most implicated organ system in COVID-19 vaccine-associated death was the cardiovascular system (53%), followed by the hematological system (17%), the respiratory system (8%), and multiple organ systems (7%). Three or more organ systems were affected in 21 cases. The mean time from vaccination to death was 14.3 days. Most deaths occurred within a week from last vaccine administration. A total of 240 deaths (73.9%) were independently adjudicated as directly due to or significantly contributed to by COVID-19 vaccination.

Interpretation: The consistency seen among cases in this review with known COVID-19 vaccine adverse events, their mechanisms, and related excess death, coupled with autopsy confirmation and physician-led death adjudication, suggests there is a high likelihood of a causal link between COVID-19 vaccines and death in most cases. Further urgent investigation is required for the purpose of clarifying our findings.

Funding: None.

Declaration of Interest: Drs Alexander, Amerling, Hodkinson, Makis, McCullough, Risch, Trozzi are affiliated with and receive salary support and or hold equity positions in The Wellness Company, Boca Raton, FL which had no role in funding, analysis, or publication.

Keywords: autopsy, necropsy, COVID-19, COVID-19 vaccines, mRNA, SARS-CoV-2 vaccination, death, excess mortality, spike protein, organ system

Suggested Citation:

Hulscher, Nicolas and Alexander, Paul E. and Amerling, Richard and Gessling, Heather and Hodkinson, Roger and Makis, William and Risch, Harvey A. and Trozzi, Mark and McCullough, Peter A., A Systematic Review of Autopsy Findings in Deaths after COVID-19 Vaccination. Available at SSRN: <https://ssrn.com/abstract=4496137> or <http://dx.doi.org/10.2139/ssrn.4496137>.,

Fazit

Der geneigte Leser möge sich selbst über die Gründe der Löschungen der vorgenannten Studien Gedanken machen und sich die Frage, wie weit Wissenschaft noch der Findung von Wahrheit dienen darf, stellen ...